

# 大腸がん進化過程を一部解明

九大病院別府病院と  
東大、阪大のチーム

## スパコン「京」使い再現

ツサー（進化）遺伝子変異群」を特定。ファウンダーで発症したがんが、多様性を得ることを解明した。

患者9人の腫瘍を計75個の検体に分けて遺伝子を解析。患者それぞれの腫瘍の全てに共通する「ファウンダー（創始者）遺伝子変異群」を特定し、ファウンダーダー（がん発症に関与することを突き止めた。

さらに、腫瘍の中に散らばって存在する「プログレッサー（進化）遺伝子変異群」を特定。ファウンダー遺伝子変異群とプログレッサー遺伝子変異群との関係性を解明した。

正常な遺伝子はさまざまな種類があるとみられる。多様性を持つ末期のがんに生じたのがん細胞は、細胞分裂する際に遺伝子の誤りが生じることがある。腫瘍の中には、共通する遺伝子変異と異なる遺伝子変異があることが確

（小田原大周）

分けられ、根気よく治療を重ねれば病気の進行を遅らせる。多様性を持つ末期のがんに生じたのがん細胞は、細胞分裂する際に遺伝子の誤りが生じることがある。腫瘍の中には、共通する遺伝子変異と異なる遺伝子変異があることが確

九州大学病院別府病院（別府市）と東京大学医学研究所、大阪大学の研究チームは、大腸がん発症と、がん細胞がそれぞれ異なった遺伝子構造を持つようになる多様性獲得のメカニズムの一部を解明し、再現することに成功した。18日付の米学術誌「プロス・ジェネティクス」電子版に掲載された。がんの治療法への応用が期待されている。

研究チームは、大腸がん患者9人の腫瘍を計75個の検体に分けて遺伝子を解析。患者それぞれの腫瘍の全てに共通する「ファウンダー（創始者）遺伝子変異群」を特定し、ファウンダーダー（がん発症に関与することを突き止めた。

さらに、腫瘍の中に散らばって存在する「プログレッサー（進化）遺伝子変異群」を特定。ファウンダー遺伝子変異群とプログレッサー遺伝子変異群との関係性を解明した。がん細胞の誕生後は、年齢や環境とは無関係の変化（中立変異）を繰り返し、

九大病院別府病院の三森功士教授は「発症や進化に



三森功士教授

# 治療への応用期待

## 大腸がんが発症して多様性を持つメカニズム

